

性能卓越的“单细胞mRNA-Seq”

SMART-Seq[®] v4 Ultra[®] Low Input RNA Kit for Sequencing

类别：新一代测序（NGS）

SMART-Seq[®] v4 沿袭了SMARTer[®] Ultra[®] Low系列微量RNA解析性能的同时，融合了SMART-Seq2技术，是性能卓越的RNA-Seq解析用试剂盒



可以单细胞或者10pg Total RNA微量样品为起始

通过引入SMART-Seq2技术

- 与之前的同类试剂盒相比较，基因识别率提高约30%
- 重复性大大提高，低丰度基因也可稳定重复检出

参照背面

SMART-Seq2技术是……？

是瑞典的路德维格癌症研究所开发的技术。SMART法中所用的SMART寡核苷酸引物经过LNA（Locked Nucleic Acid）技术修饰，大幅提高了模板亲和和特异性，从而可以实现更高灵敏度的基因表达解析。

■ 特点

应用	Input RNA量	反转录引物	测序平台
· RNA-Seq · 转录组解析	10 pg~10ng Total RNA (也可以单细胞为起始~)	SMART-Seq CDS Primer (改良型Oligo dT)	· Illumina 公司NGS平台 · Ion Torrent

■ 产品一览表

产品名称	规格	Code No.
SMART-Seq [®] v4 Ultra [®] Low Input RNA Kit for Sequencing	12 次	634888
	24 次	634889
	48 次	634890
	96 次	634891
	192 次	634892
	480 次	634893
	960 次	694894

请见背面

SMART-Seq[®] v4 Ultra[®] Low Input RNA Kit for Sequencing

■ 前代试剂盒(SMARTer[®] v3※)与本试剂盒(SMART-Seq[®] v4)解析结果比较

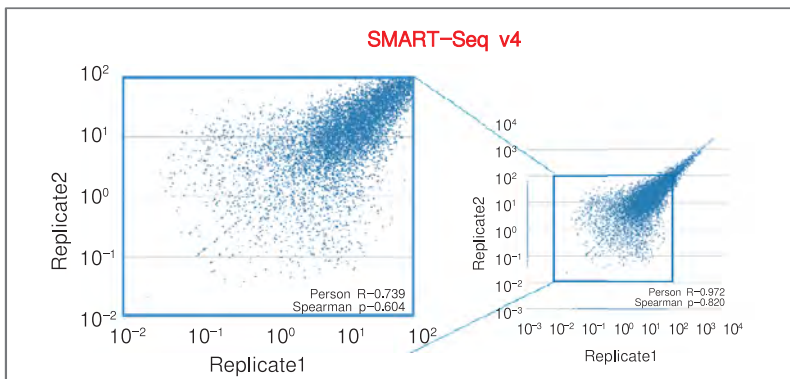
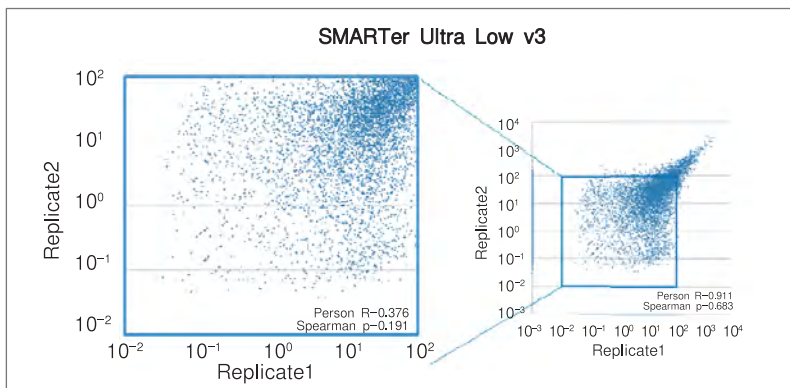
所用试剂盒	Input : 10pg 小鼠脑总RNA			
	SMARTer [®] v3		SMART-Seq [®] v4	
Number of reads(millions)	4.0		4.0	
Mapped to genome	96%	97%	96%	95%
Mapped to exons	73%	73%	76%	76%
Mapped to introns	21%	21%	19%	20%
Number of genes	11,647	10,885	14,731	14,813
相关系数	0.92		0.97	

*数据来自于Clontech 公司

SMART-Seq[®] v4基因识别率提高约30%，检测灵敏度更高。

※前代试剂盒使用SMARTer[®] Ultra[®] Low Input RNA Kit for Sequencing-v3

■ 前代试剂盒(SMARTer[®] v3※)与本试剂盒(SMART-Seq[®] v4)的重复性比较



<方法>

使用前代试剂盒和本试剂盒分别对同一样品重复进行2次解析。
以第1次解析为横轴、第2次解析为纵轴，对同一样品的表达量解析结果进行绘图。

<结果>

对于高表达基因重复性都较高。
对于低表达基SMART-Seq[®] v4显示更高的重复性。

**使用SMART-Seq[®] v4,
即使对于低表达基因也可进行
更准确的解析。**

*数据来自于Clontech 公司

- 本宣传页上登载的制品，都是以科研为目的。请不要用于其它方面，如：不要用于人、动物的临床诊断和治疗。也不能用于食品、化妆品及家庭用品等方面。
- 未经本公司许可，严禁产品的转售·转让、以转售·转让为目的的产品更改、以及用于商品的制造。
- 专利许可及注册商标信息请在本公司网站上确认：<http://www.clontech.com/>。
- 本宣传页上登载的公司名称及制品名称即使没有特殊标注，使用的也是各公司的商标或注册商标。

宝日医生物技术(北京)有限公司

Takara Biomedical Technology (Beijing) Co.,Ltd.

地址：北京市昌平区科学园路22号（中关村生命科学园内）（P.C.102206）

电话：010-80720985, 80720986

传真：010-80720989

E-mail:service@takarabiomed.com.cn

http://www.takara.com.cn

技术咨询电话

4006518761 4006518769

代理商联系信息